

(別表1) INNとの整合性が図られる可能性のあるもの

(平成18年3月31日薬食審査発第0331001号厚生労働省医薬食品局審査管理課長通知に示す別表1)

登録番号 29-3-A3

JAN(日本名) : ト拉斯ツズマブ(遺伝子組換え) [ト拉斯ツズマブ後続2]

JAN(英名) : Trastuzumab (Genetical Recombination) [Trastuzumab Biosimilar 2]

アミノ酸配列及びジスルフィド結合

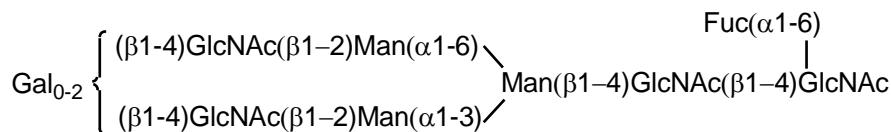
L鎖 DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQDVN TAVAWYQQKP GKAPKLLIYS
 ASFLYSGVPS RFSGSRSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ HYTPPPTFGQ
 GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV
 DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG
 LSSPVTKSFN RGECA

H鎖 EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFNIK DTYIHWVRQA PGKGLEWVAR
 IYPTNGYTRY ADSVKGRFTI SADTSKNTAY LQMNSLRAED TAVYYCSRWG
 GDGFYAMDYW GQGTLTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK
 DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSISSLVVT VPSSSLGTQT
 YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP
 KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN
 STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKETIS KAKGQPREPQ
 VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV
 LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPG

H鎖E1:部分的ピログルタミン酸; H鎖N300:糖鎖結合

L鎖C214-H鎖C223, H鎖C229-H鎖C229, H鎖C232-H鎖C232:ジスルフィド結合

主な糖鎖の推定構造



C₆₄₄₈H₉₉₄₈N₁₇₂₀O₂₀₁₂S₄₄ (タンパク質部分, 4本鎖)

H鎖 C₂₁₉₂H₃₃₇₉N₅₈₃O₆₇₁S₁₆

L鎖 C₁₀₃₂H₁₅₉₉N₂₇₇O₃₃₅S₆

トラスツズマブ[トラスツズマブ後続2]（以下、トラスツズマブ後続2）は、遺伝子組換えヒト化モノクローナル抗体であり、マウス抗ヒト上皮成長因子受容体2型(HER2)モノクローナル抗体の相補性決定部、ヒトフレームワーク部及びヒトIgG1の定常部からなり、H鎖C末端のLysは除去されている。トラスツズマブ後続2は、チャイニーズハムスター卵巣細胞により産生される。トラスツズマブ後続2は、449個のアミノ酸残基からなるH鎖(γ1鎖)2本及び214個のアミノ酸残基からなるL鎖(κ鎖)2本で構成される糖タンパク質(分子量：約148,000)である。

Trastuzumab [Trastuzumab Biosimilar 2] (Trastuzumab Biosimilar 2) is a recombinant humanized monoclonal antibody composed of complementarity-determining regions derived from mouse anti-human epidermal growth factor receptor type 2 (HER2) monoclonal antibody, human framework regions and human IgG1 constant regions, and C-terminal Lys is deleted in the H-chain. Trastuzumab Biosimilar 2 is produced in Chinese hamster ovary cells. Trastuzumab Biosimilar 2 is a glycoprotein (molecular weight: ca. 148,000) composed of 2 H-chains (γ1-chains) consisting of 449 amino acid residues each and 2 L-chains (κ-chains) consisting of 214 amino acid residues each.

※ JAN以外の情報は、参考として掲載しました。